

LymphoTranscript

Pour la détection de transcrits de fusion

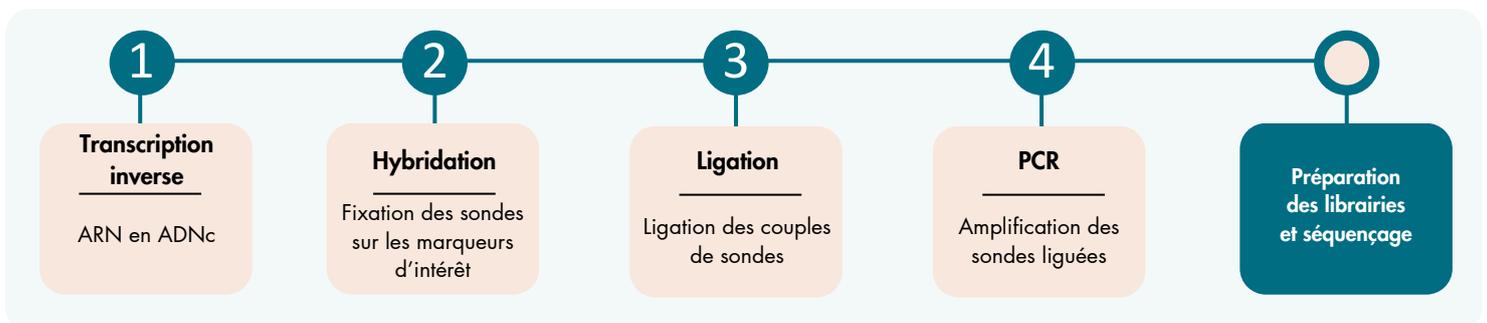
La solution **LymphoTranscript** de **Genexpath** permet de mettre en évidence les **transcrits de fusion** associés aux **lymphomes T périphériques**.

La détection et la quantification des transcrits de fusion sont rendues possible grâce à des techniques de biologie moléculaire et de **séquençage à haut débit**. Les données obtenues sont analysées à l'aide de notre plateforme **RT-MIS**.

La RT-MLPSeq - une technique simple et rapide

Le test **LymphoTranscript** utilise la méthode **RT-MLPSeq**.

Le test *in vitro* en plusieurs étapes évalue simultanément un grand nombre de **marqueurs génétiques** (translocations chromosomiques et quelques mutations) en utilisant des couples de sondes oligonucléotidiques spécifiques pour chacun d'entre eux.

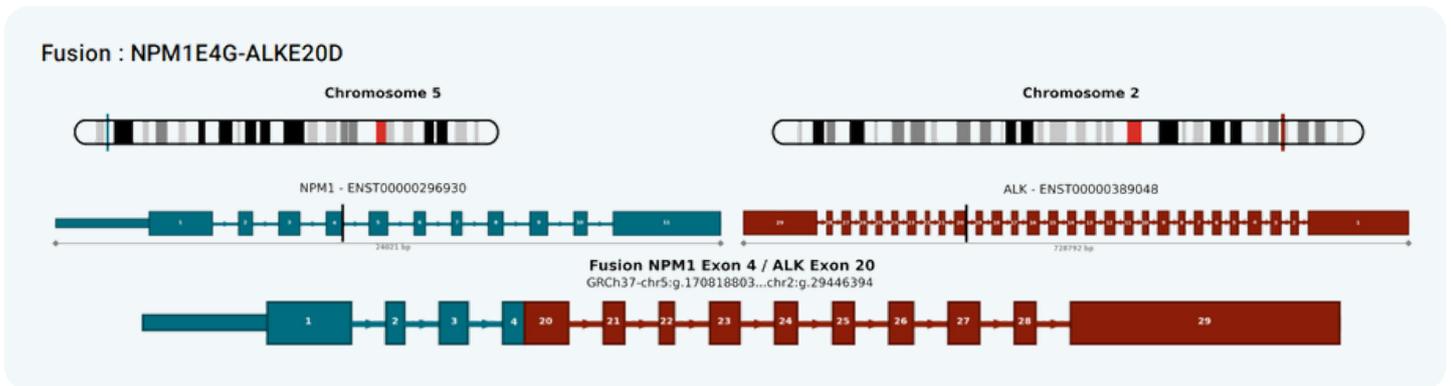


Ce test *in vitro* est associé à un séquençage haut débit qui permet de tester plusieurs échantillons et des dizaines de gènes en même temps.

Une analyse post séquençage grâce à un logiciel dédié

Après le séquençage, le fichier **FASTQ** est chargé sur la plateforme **RT-MIS** qui réalise le démultiplexage, l'identification et la quantification des transcrits de fusion détectés.

RT-MIS délivre en quelques minutes un **rapport** comprenant les **transcrits de fusion détectés** et la **bibliographie associée**.



Les caractéristiques du test

- 1/2 journée de manipulation
- Faible quantité d'ARN nécessaire
- Adapté aux échantillons FFPE
- Sensible grâce aux sondes courtes
- Spécificité accrue grâce aux UMI
- Séquençage avec d'autres librairies possible
- 100 000 reads suffisent
- Analyse bio-informatique incluse
- Accès à l'ensemble des données brutes

Domaine d'application	Détection de transcrits de fusion		
Durée de la manipulation	≈4h avant séquençage	Temps de travail effectif	≈1h-1h30
Type d'échantillons	Biopsies tissulaires fixées et incluses en paraffine		
Quantité initiale	Entre 50 et 500ng d'ARN dans un volume de 2µL		
Contenu du kit de réactifs	Sondes ciblant transcrits de fusion, mutations somatiques et virus HTLV1, barcodes, primers de séquences		
Compatibilité matériel	Séquenceurs Illumina®		

RUO Pour la recherche uniquement.