

Test LymphoTranscript

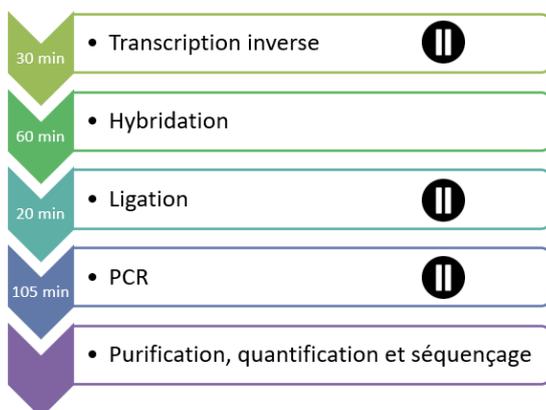


La solution **LymphoTranscript** de Genexpath permet de mettre en évidence les transcrits de fusion associés aux Lymphomes T périphériques. Elle est applicable aux échantillons d'ARN de faible qualité extraits à partir de sections de biopsies tissulaires fixées et incluses en paraffine obtenues en clinique. La détection et la quantification des anomalies sont réalisées à l'aide d'un séquenceur de nouvelle génération et ne nécessitent que 10^5 reads par échantillon.

L'analyse bioinformatique est réalisée à l'aide de notre logiciel RT-MIS qui fournit le détail des transcrits éventuellement détectés.

Utilisation du test

Le test **GENEXPATH LymphoTranscript** repose sur une méthode de RT-PCR dépendante de ligation (LD-RT-PCR). Cette technique semi-quantitative permet d'évaluer simultanément des translocations chromosomiques ainsi que des mutations somatiques à l'aide de couples de sondes oligo-nucléotidiques spécifiques de chacun de ces marqueurs.



Un protocole simple et rapide

A partir d'un extrait d'ARN total, quatre étapes sont suffisantes pour obtenir les librairies.

- Une étape de transcription inverse
 - Une étape d'hybridation des sondes oligo-nucléotidiques
 - Une étape de ligation
 - Une étape d'amplification par PCR
- Puis séquençage des librairies

Aucune purification n'est nécessaire jusqu'à l'obtention des librairies, ce qui limite les pertes de matériel et assure une très bonne sensibilité à cette technique. De plus, les séquences génétiques ciblées par les sondes sont particulièrement courtes (entre 40 et 60 bases) ce qui assure une très bonne robustesse vis-à-vis de la dégradation des ARN.

La LD-RT-PCR est donc une approche particulièrement adaptée à l'analyse d'échantillons biologiques difficiles comme les biopsies tissulaires fixées et incluses en paraffine.

Pour chaque échantillon, environ 10^5 séquences sont suffisantes pour obtenir un profil d'expression analysable, ce qui permet de tester un grand nombre d'échantillons en parallèle sur une même FlowCell de séquençage.

Pour optimiser les coûts les librairies **GENEXPATH LymphoTranscript** peuvent également être chargées en même temps que d'autres librairies de séquençage, générées par d'autres méthodes.

Une analyse post-PCR basée sur un logiciel dédié

Une fois le séquençage terminé, le fichier FASTQ peut-être uploadé sur la plate-forme RT-MIS qui, après quelques minutes d'analyse, délivre un fichier comprenant les transcrits de fusion détectés.

Durée de la manipulation	≈5h30
Temps de travail effectif	1h-1h30
Type d'acide nucléique	ARN
Quantité d'entrée	Entre 50 et 500ng d'ARN
Type de cancer	Lymphomes T périphériques
Contenu du kit de réactifs	Sondes ciblant transcrits de fusion, mutations somatiques, virus HTLV1, barcodes, primers de séquence
Méthode	RT-PCR dépendante de ligation
Description	Détecte les transcrits de fusion associés aux Lymphomes T périphériques en 1 seule analyse.
Compatibilité matériel	MiSeq, NextSeq 500, NextSeq 550 Illumina®
Type d'échantillons	Biopsies tissulaires fixées et incluses en paraffine
Technologie	Séquençage nouvelle génération

Ce produit est réservé à un usage unique de recherche dans le domaine de la biologie moléculaire. Ne pas utiliser pour des procédures de diagnostic médical.

Coordonnées

Genexpath, 113 avenue des martyrs de la résistance 76100 Rouen

Téléphone : 02 78 08 98 69

Mail : contact@genexpath.com

Site : www.genexpath.com

Dernière mise à jour : 06/03/2023